

GS02-1 DNA 複製に伴うクロマチン上の TRIM28 及び SETDB1 の動態解析

○永谷 智実¹, 西山 敦哉¹, 中西 真¹

¹東大院理

細胞が分裂を経ても遺伝子発現パターンや形質を維持するためには、DNA 塩基配列の複製だけでなく、ヒストン修飾のパターンも正確に娘細胞へコピーする必要がある。しかし、DNA 複製に協調してヒストン修飾パターンを維持する分子機構についてはほとんど理解されていない。我々は SUMO-E3 リガーゼである TRIM28 (Tripartite motif protein 28) 及びその関連因子に着目してヒストン修飾の維持機構を解析した。TRIM28 は自己 SUMO 化を介して、ヒストン H3 の 9 番目のリシンをトリメチル化 (H3K9me3) する酵素 SETDB1 (SET domain bifurcated 1) と結合することが知られており、また H3K9me3 を認識する HP1 とも相互作用する。我々はアフリカツメガエル未受精卵由来の無細胞系を用いて TRIM28 及び SETDB1 の DNA 複製時における挙動を解析した。その結果、TRIM28 は S 期初期に SUMO 化を受けていない状態でクロマチンに結合し、その後 SUMO 化されることが分かった。また S 期における SETDB1 のクロマチン結合に TRIM28 が必須であることを明らかにした。さらにこの TRIM28 による SETDB1 のリクルート機構は SUMO 化非依存的であり、DNA 複製を必要としないことが示唆された。